

Tom Parkinson, Diagnose Parkinson 15.12.2020

www.tomparkinson.de

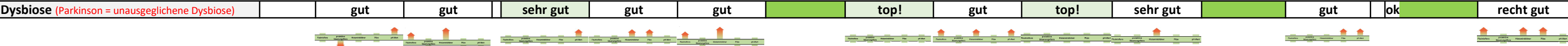
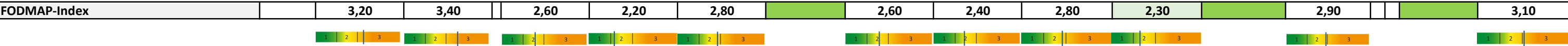
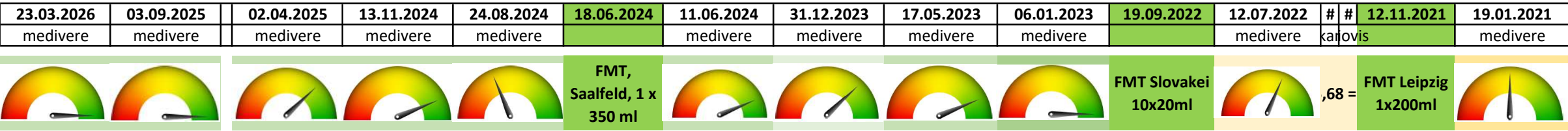
Stand: 23.03.2026

hier hatte ich
Bestwerte
(Symptome)

gute Phase

gute Phase

Diversität



Fäulnisflora		0	-1	0	0	-1		0	-1	0	0		0			-1
protektive Säuerungsflora		-1	0	0	0	0		0	0	0	0		0			0
Histaminbildner		0	-2	0	-1	-2		0	-1	0	-1		0			-1
Pilze		0	0	0	-1	0		0	0	0	0		-1			-1
ph-Wert		-1	0	-1	0	0		0	-1	0	0		-1			0

Funktionelle Mikrobiota																
Mucindegradation		0	0	0	-1	-1		0	0	0	-1		-1			0
Mukosaprotektion		-2	-2	-1	-2	-1		-2	1	1	1		-2			-2
Sulfatreduzierende																
Mikrobiota		-1	-1	-1	-1	-1		0	0	0	0		0			-1
Neuroaktive																
Mikrobiota		1	1	0	1	0		2	1	2	2		2			1
Methanbildende																
Mikrobiota		0	0	0	0	0		0	0	0	0		0			0
LPS-Keime		-1	0	0	0	0		0	0	0	0		0			-1

Enterotyp		1	unbestimmt	3	2	unbestimmt		unbestimmt	unbestimmt	unbestimmt	unbestimmt		1	2		1
-----------	--	---	------------	---	---	------------	--	------------	------------	------------	------------	--	---	---	--	---

Mikrobiomassoziierte Gesundheitsrisiken

entzündliche Darmerkrankungen		Nein	Nein	Nein	Nein	leicht erhöht		Nein	Nein	Nein	Nein		leicht erhöht			leicht erhöht
Reizdarmsyndrom		Nein	leicht erhöht	Nein	leicht erhöht	erhöht		Nein	leicht erhöht	Nein	leicht erhöht		Nein			leicht erhöht
Autoimmunerkrankungen		Nein	Nein	Nein	leicht erhöht	leicht erhöht		Nein	Nein	Nein	Nein		Nein			leicht erhöht
Neurologische Erkrankungen		Nein	Nein	Nein	Nein	Nein		Nein	Nein	Nein	Nein		Nein			leicht erhöht
Metabolische Erkrankungen		Nein	Nein	Nein	leicht erhöht	Nein		Nein	Nein	Nein	leicht erhöht		leicht erhöht			leicht erhöht

Bioindikatoren

Stuhl-ph-Wert	5,5-6,5	7,00	6,90	6,90	6,50	6,50		6,50	6,60	6,40	6,50		6,80	#	#	6,40
Biodiversität (Shannon Index)**	>4,6	5,38	5,33	3,09	3,14	2,73		3,19	3,09	3,10	3,20		2,94			2,87
Firmicutes/Bacteroidetes-Ratio** (less = bad)	2,9-4,8	3,20	3,00	1,20	1,10	0,50		1,30	1,20	1,40	1,80		1,10			1,10
https://www.news-medical.net/news/20240123/From-gut-to-brain-How-diet-can-influence-Alzheimers-and-Parkinsons-outcomes.aspx																
Butyratproduktion** high = good	11,0-19,0	15,90	18,60	14,10	13,00	8,90		11,60	11,90	15,10	14,50		11,60			11,50
Laktatproduktion**	1,5-7,7	1,20	4,40	0,20	0,30	0,50		2,00	0,40	0,50	0,20		0,60			0,70
Acetat- und Propionatproduktion**	12,0-21,0	16,90	16,80	25,20	16,00	37,30		27,70	23,80	30,50	17,90		36,30			40,10
Mucindegradation**	0,01-7,4	1,70	3,00	5,30	19,00	18,90		7,30	8,10	5,40	9,00		8,80			3,10
LPS-tragende Bakterien**	<2,2	2,25	0,12	3,46	2,33	3,06		1,23	2,28	1,03	2,15		1,18			2,14

Bakterienstämme (Phyla)

Firmicutes**	61-70	65,421	61,33	46,888	45,899	28,81		47,306	48,19	50,388	52,851		46,187			44,178
--------------	-------	--------	-------	--------	--------	-------	--	--------	-------	--------	--------	--	--------	--	--	--------

Bacteroidetes** <i>(less = bad)</i>	14-22	20,538	20,36		39,656	41,156	61,1		37,615	40,28	36,68	29,873		42,801			40,475
Proteobacteria**	1,4-5,9	6,271	3,64		7,749	8,053	7,25		7,744	6,917	6,456	12,326		4,801			11,648
Actinobacteria**	3,6-11	4,099	9,8		0,54	0,356	0,52		1,88	0,421	0,584	0,086		0,372			0,507
Verrucomicrobia** <i>(very little is good)</i>	0,001-3,2	0	0		0,015	0,028	0,348		0	0,368	0,526	1,088		0,002			0,002
Fusobacteria** (Krebs!)	<0,002	0	0,002		0	0	0		0	0	0	0		0			0
Cyanobacteria** <i>(very little is good)</i> - Poison!	0,001-0,009	0,02	0,029		0,307	0,217	0,515		0,148	0,1	0,188	0,312		0,128			0,801
https://phys.org/news/2023-09-cyanobacteria-neurotoxin-n-methylamino-l-alanine.html																	
Euryarchaeota**	<0,05	0	0		0	0	0		0	0	0	0		0			0
Tenericutes**	0,001-0,1	0,088	0,171		2,773	3,668	0,631		4,03	2,097	2,825	2,4		4,412			0,754

Mucindegradierende Mikrobiota

Akkermansia muciniphila** <i>(very little is good)</i>	0,001-3,2	0	0		0,01	0	0,015		0	0,351	0,514	1,072		0			0
https://www.nature.com/articles/s41531-024-00802-2																	
Prevotella spp.** <i>> higher better?</i>	0,001-2,4	1,711	3,048		5,253	19,034	18,91		7,296	7,792	4,863	7,963		8,799			3,08
Prevotella copri**	<0,7	0,737	2,335		2,593	15,555	16,586		2,847	1,743	1,84	5,204		5,653			0,002

Mukosaprotektive Mikrobiota

Akkermansia muciniphila** (very little is good)	0,001-3,2	0	0		0,014	0	0,015		0	0,351	0,514	1,072		0			0
Faecalibacterium prausnitzii** <i>high = good!</i>	6,7-12	11,652	8,485		3,322	5,958	4,474		6,933	7,088	9,018	8,462		7,296			5,753

<https://parkinsonsnewstoday.com/news/study-finds-large-scale-disruptions-parkinsons-gut-microbiome/>

Sulfatreduzierende Mikrobiota

Bilophila wadsworthia** <i>(very little is good)</i>	<0,4	0,16	0,288		0,161	0,178	0,098		0,238	0,272	0,063	0,107		0,098			0,258
Desulfobacter spp.**	<0,001	0	0		0	0	0		0	0,001	0,001	0		0			0
Desulfovibrio spp.** <i>< Untergruppen!</i>	<0,2	1,481	2,482		1,351	2,084	2,04		0,011	0,022	0,006	0,002		0,003			0
Desulfuromonas spp.**	<0,001	0	0		0	0	0		0	0	0	0		0			0

Neuroaktive Mikrobiota

Bifidobacterium adolescentis**	0,001-2,6	0,276	3,026		0,204	0,111	0,047		1,451	0,206	0,284	0,002		0,046			0,018
Bifidobacterium dentium** <i>bei PD erhöht!</i>	>0,001	0	0		0	0	0		0,003	0	0	0		0			0
https://www.nature.com/articles/s41467-022-34667-x/figures/2																	
Lactobacillus brevis**	>0,001	0	0		0	0	0		0	0	0	0		0			0
Lactobacillus plantarum**	>0,001	0	0,174		0	0	0		0	0	0,051	0,003		0,061			0
Lactobacillus paracasei**	>0,001	0	0		0	0	0		0	0	0	0		0			0,07
Oscillibacter spp.**	<0,3	0,115	0,097		0,218	0,078	0,09		0,044	0,214	0,047	0,04		0,063			0,218
Alistipes spp.** <i><</i>	0,2-1,3	0,878	1,305		11,014	3,823	7,389		5,386	2,055	5,484	3,589		4,299			4,177

Methanbildende Mikrobiota

Methanobacteria**	<0,05	0	0		0	0	0		0	0	0	0		0			0
Methanobrevibacter spp.**	<0,04	0	0		0	0	0		0	0	0	0		0			0

LPS-tragende Mikrobiota

Citrobacter spp.** <i>(very little is good)</i>	<0,002	0	0,009		0	0	0,003		0	0	0	0		0			0
Enterobacter spp.**	<0,006	0	0,015		0	0,017	0,018		0,003	0,004	0	0,077		0			0
Escherichia spp.** <i><</i>	<0,1	0	0		0,05	0,011	0,05		0	0,005	0,001	0,005		0			0,002
Klebsiella spp.**	<0,003	0,011	0,013		0,007	0,028	0,003		0	0,299	0,013	0,005		0,02			0,018
Providencia spp.**	<0,001	0	0		0	0	0		0	0	0	0		0			0,007
Pseudomonas spp.**	<0,002	0,01	0		0	0	0		0	0,003	0,001	0		0,002			0,002
Serratia spp.**	<0,001	0	0		0	0	0		0	0	0	0		0			0
Sutterella spp.**	<1,6	1,75	0,091		3,442	2,279	2,984		1,23	1,968	1,015	2,059		1,179			2,11

Immunmodulation

Enterobacter spp.**	<0,1	0	0		0,005	0,011	0,05		0	0,005	0,001	0,005		0			0,002
Enterococcus spp.** <i>(E. avium - very little is good)</i>	0,001-0,01	0,476	0,009		0	0,006	0		0	0,003	0	0		0			0,053

<https://www.ncbi.nlm.nih.gov/pmc/articles/PMC9804059/>

Ballaststoffabbauende Mikrobiota

Bifidobacterium adolescentis**	0,001-2,6	0,276	3,026		0,204	0,111	0,047		1,451	0,206	0,284	0,002		0,046			0,018	
Ruminococcus spp.**	0,7-5,1	2,083	7,605		10,292	5,018	2,933		3,544	3,032	3,607	4,615		1,879			2,127	

Buttersäure (Butyrat) produzierende Mikrobiota (vorteilhaft bei Bauspeicheldrüsenkrebs)

Butyrivibrio crossotus**	>0,001	0	0		0	0,033	0,002		0,074	0,001	0,005	0,005		0,005			0,009	
Eubacterium spp.**	0,2-0,9	0,558	1,393		0,031	0,984	0,628		0,385	0,983	1,008	0,33		0,499			2,871	
Faecalibacterium prausnitzii** high = good!	6,7-12	11,652	8,485		3,322	5,958	4,474		6,933	7,088	9,018	8,462		7,296			5,753	
Roseburia spp.** less = bad	0,4-2,4	1,616	1,132		0,425	1,056	0,837		0,678	0,785	1,417	1,06		1,949			0,743	
https://www.nature.com/articles/s41467-022-34667-x/figures/3																		
Ruminococcus spp.**	0,7-5,1	2,083	7,605		10,292	5,018	2,933		3,544	3,032	3,607	4,615		1,897			2,127	

Acetat- / Propionatbildende Mikrobiota

Alistipes spp.** <	0,2-1,3	0,878	1,305		11,014	3,823	7,389		5,386	2,055	5,484	3,589		4,299			4,177	
Bacteroides spp.** less = good	6,4-15	13,044	9,304		13,055	7,23	27,792		15,065	15,805	17,381	12,048		23,054			29,595	
Bacteroides vulgatus**	0,6-5,1	2,762	2,937		1,433	0,478	4,28		2,97	1,959	2,53	2,753		4,065			3,122	
Dorea spp.**	0,5-1,2	0,771	0,952		0,181	0,067	0,13		0,123	0,046	0,033	0,022		0,051			0,098	

Laktatbildende / saccharolytische Mikrobiota

Bifidobacterium spp.** <	0,4-6,5	0,293	3,566		0,225	0,15	0,373		1,784	0,314	0,396	0,003		0,304			0,378	
Bifidobacterium adolescentis**	0,001-0,26	0,276	3,026		0,204	0,111	0,047		1,451	0,206	0,284	0,002		0,046			0,018	
Enterococcus spp.** (E. avium - very little is good)	0,001-0,01	0,476	0,009		0	0,006	0		0	0,003	0	0		0			0,053	
Lactobacillus spp.**	0,07-1,3	0,317	0,832		0,005	0,072	0,086		0,208	0,117	0,147	0,188		0,263			0,225	

Histaminbildende Mikrobiota

Citrobacterspp.**	<0,002	0																
Clostridium spp.**	0,4-0,9	0,658	0,765		2,083	1,695	1,074		0,978	2,505	1,184	0,899		0,619				
Enterobacter spp.**	<0,006	0	0,015		0	0,017	0,018		0,003	0,004	0	0,077		0				
Hafnia alveii**	<0,001	0	0,002		0	0	0,002		0	0,004	0	0		0				
Klebsiella spp.**	<0,003	0,011	0,013		0,007	0,028	0,003		0	0,299	0,013	0,005		0,002				
Serratia spp.**	<0,001	0	0		0	0	0		0	0	0	0		0				
Escherichia spp.** <	<0,1	0	0		0,005	0,011	0,05		0	0,005	0,001	0,005		0				

<https://pubs.acs.org/doi/10.1021/acscchembio.4c00095>

Clostridiaceae

Clostridium spp.** (C. leptum bei pD erhöht)	0,4-0,9	0,658	0,765		2,083	1,695	1,074		0,978	2,505	1,184	0,899		0,619			0,632	
Clostridium difficile**	<0,025	0	0		0,016	0	0,008		0	0,001	0	0,003		0			0,004	
Clostridium scindens**	>0,006	0,114	0,114		0	0	0		0	0	0	0		0			0	

Sonstige Mikrobiota

Fusobacterium nucleatum** (Krebs!)	<0,001	0	0		0	0	0		0	0	0	0		0			0	
Oxalobacter formigenes**	>0,001	0,004	0,101		0,326	0,028	0,023		0,022	0,09	0,034	0,115		0			0	
Anaerotruncus colihominis**	0,005-0,03	0,019	0,037		0,045	0,006	0,005		0,003	0,017	0,009	0,007		0,006			0,02	
Streptococcus spp.**	0,2-1,9	1,117	0,054		0,416	0,233	0,481		0,06	0,09	0,116	0,076		0,054			0,091	

Pilze

Candida spp.**	<0,002	0	0		0	0,006	0		0	0	0	0		0			0,087	
Candida albicans**	<0,001	0	0		0	0	0		0	0	0	0		0			0	
Geotrichum candidum**	<0,001	0	0		0	0	0		0	0	0	0		0			0,042	
Saccharomyces cerevisiae**	<0,03	0	0		0	0,011	0		0	0	0	0		0			0,149	
Schimmelpilze**	0	0	0		0	0	0		0	0	0	0		0			positiv	

<https://nachrichten.idw-online.de/2021/11/30/ein-schimmelpilz-dominiert-die-eukaryotische-stuhlmikrobiota-bei-parkinson-patienten?groupcolor=3>

Verdauungsrückstände:

Fett i. Stuhl**	<5,2				5				2,1	2,3	4,3			1,3	4		3,2	
Wassergehalt i. Stuhl**	68,5-82,7				68				76	74	72			78	#		81	

Eiweiß i. Stuhl**	<1,5				1,5				1,2	1,2	1,3		1,1	2		1
Stärke i. Stuhl**	2,6-10,6				9				8	7,4	12,1		8,6	#		6,4
Zuckergehalt i. Stuhl**	<2,0				1,8				1,8	1,4	1		1,6	1		1,4

Malabsorption / Entzündung / Leaky Gut:

Alpha-1-Antitrypsin i. Stuhl	<27,5				17,4				14,8	5,9	20,3		4,6	5		10,3
Zonulin (Stuhl) - geänderter Messbereich!	<60,1				73,4				920,7	25,2	<14		17,6	<14		16,8
Calprotectin i. Stuhl	<50				<19,5				<19,5	<19,5	<19,5		<19,5			<19,5

Maldigestion:

Pankreaselastase i. Stuhl	>200				497,2				497,4	430,8	291,4		157,1	#		>500
Gallensäuren i. Stuhl	0,46-9,96				6,8				1,24	0,56	0,67		0,32	1		negativ

Schleimhautimmunität:

Sekretorisches IgA i. Stuhl	510,00-2040				434,9				324,1	399,8	<277,5		344,1	#		333,1
-----------------------------	-------------	--	--	--	-------	--	--	--	-------	-------	--------	--	-------	---	--	-------

Mikrobiom-assoziierte Gesundheitsrisiken

							keine		keine							
Histaminintoleranz			erhöht						erhöht		erhöht					erhöht
Adipositas											erhöht		erhöht			erhöht
Gastrointestinale Infektanfälligkeit													erhöht			erhöht
Leaky Gut Syndrom																erhöht
Chronisches Fatigue Syndrom																erhöht
Psoriasis																erhöht
Nicht-alkoholische Fettleber																erhöht
Nahrungsmittel unverträglichkeit																erhöht
Psoriasis																erhöht
Allergie / Asthma																erhöht
SIBOS																erhöht
Gastrointestinale Infektanfälligkeit																erhöht
Morbus Alzheimer - Parkinson																erhöht
Diabetes mellitus Typ 2																
Kardiovaskuläre Erkrankungen																
Alkoholische Fettleber																
Reizdarm																
Diabetes mellitus Typ 1																
Chronisch-entzündliche Darmerkrankungen																
Dysbiose																
Reduzierte Kolonisationsresistenz																
Zöliakie																
Rheumatoide Arthritis																
Depression																
Autism Spectrum Disorder																

Magen-Darm-Diagnostik - Befundinterpretation

Maldigestion					0				0	0	0		-1	0		0
Entzündung					0				0	0	0		0	0		0

Intestinale Permeabilität					-1				-1	0	0		0	0		0	
Immunität					-1				-1	-1	-1		-1	#		-1	

16.05.2023 wichtige Meldung - siehe Link!

<https://www.frontiersin.org/articles/10.3389/fcimb.2021.652617/full> - den Link gibt es ganz unten nochmal...

Es geht um die spezifischen Stämme: Desulfovibrio desulfuricans, Desulfovibrio fairfieldensis, Desulfovibrio piger diese sollte man am besten nicht im Darm haben! Sie sollen wahrscheinlich der Auslöser des Parkinsons sein. Desulfovibrio ist bei meinen Stuhlbefunden nicht vorh muss ich abklären, ob die drei oben genannten Untergruppen auch nicht vorhanden sind - Am 2. November 2023 kam das Ergebnis aus Heidelberg! Ich habe die drei Untergruppen nicht!!!

Auch soll es vorteilhaft sein, möglichst wenig von folgenden Bakterienstämme zu haben (dies trifft bei mir zu - siehe Befunde) : Cyanobacteria (Bakterienstamm), Bifidobacterium dentium (Neuroaktive Mikrobiota), Citrobacter spp. (LPS-tragende Mikrobiota), Enterococcus spp. (Immunmodulation + Laktatbildende / saccharolytische Mikrobiota), Verrucomicrobiaceae, Bifidobacteriaceae und Christesenellaceae

Hier ein Link zu meinen ausführlichen Befunden

<https://www.parkinsonclub.de/microbiome-findings-report>

<https://www.parkinsonclub.de/microbiome-transfer>

<https://www.frontiersin.org/articles/10.3389/fcimb.2021.652617/full>

https://www.focus.de/gesundheit/news/ueber-nasenschlauch-wie-eine-kot-transplantation-parkinson-symptome-lindern-kann_id_259842605.html

<https://www.24vita.de/gesundheit/studie-universitaet-konstanz-parkinson-ursache-darm-mikrobiom-forscher-zr-92584301.html>

<https://kops.uni-konstanz.de/server/api/core/bitstreams/ed9abb92-5b3f-483b-b569-cc03cc6a3d91/content>

https://www.focus.de/gesundheit/news/forscher-sagen-erstmals-aggressivste-krebsart-anhand-von-stuhlproben-voraus_f956c106-1755-4f68-831e-7fcc753b448b.html?fbclid=IwY2xjawLYidZleHRuA2FlbQIxM

In der Darmflora der Patienten mit Bauchspeicheldrüsenkrebs waren den Forschern zufolge insbesondere die **Erreger**

Enterobacteriaceae,
Enterococcaceae
und Fusobacteriaceae
in hohen Mengen vertreten

Andererseits fanden die Forscher bei ihnen wesentlich weniger **nützliche Darmbakterien**. Vor allem der Anteil der Bakterien, die zur Klasse der Clostridien gehören, darunter die Buttersäure produzierenden Lachnospiracea, Butyricocccaceae und Ruminococcaceae war zurückgegangen.